

第一届中国计算机学会生物信息学会议（CBC 2016）

征文通知（第二轮）

(<http://admis.fudan.edu.cn/cbc2016>)

2016年11月11-13日，西南大学，重庆

由中国计算机学会主办的第一届年生物信息学学术会议(The First CCF Bioinformatics Conference,简称 CBC 2016)旨在是为从事生物信息学研究的专家、学者和学生提供一个学术交流平台，促进我国生物信息学领域的学术交流与研究合作。会议将于 2016年11月11-11月13日在重庆市召开，由西南大学承办，重庆大学、第三军医大学、重庆邮电大学等单位协办。会议将邀请国内外生物信息学领域的著名专家、学者作大会报告，并就生物信息学领域的最新研究进展和动向组织分组报告和墙展报告。

一、征文范围

会议征求与如下各主题（但不限于）相关的研究论文：

- ❖ 基因组与表观基因组
- ❖ 转录组
- ❖ 蛋白质组
- ❖ 宏基因组与宏转录组
- ❖ 遗传与进化
- ❖ 非编码 RNA 结构与功能
- ❖ 生物网络与系统生物学
- ❖ 生物医学信息提取与文档挖掘
- ❖ 生物大数据与精准医疗

- ❖ 生物信息学中的算法与高性能计算
- ❖ 生物数据库构建与生物信息学软件开发
- ❖ 其他相关领域

二、征文要求与论文出版

会议征求三类稿件：

1) 长文 (regular papers)：反应作者近期在某一领域取得的、且未公开发表过的、比较完整的研究成果；

2) 焦点论文 (highlights)：作者近一年内在生物信息学领域重要学术期刊上发表的、且未在其他场合公开报告过的研究论文；

3) 墙展论文 (poster papers)：反应作者近期在某一领域取得的初步性研究成果或者某一具体的生物数据库/生物数据分析软件工具。

稿件可以用中英文撰写。所有稿件将通过 easychair 投稿系统进行投稿。长文将采取双盲 (double-blind) 方式进行投稿和审稿。录取的英文稿子将发表在英文期刊的特刊 (special issue) 上；录取的中文稿子将推荐到中文期刊发表。已经明确的中、英文期刊包括：Current Bioinformatics (SCI 期刊), Genomics, Proteomics and Bioinformatics (GPB, 预计明年会正式被 SCI 收录), 《中国科学 (信息学版)》, 《计算机学报》和《计算机研究与发展》等。预计录取大约 20 篇英文稿子和 10 篇中文稿子。

会议将评选最佳论文、最佳学生论文和最佳墙展论文，并颁发奖品与证书。

投稿网址：<https://easychair.org/conferences/?conf=cbc2016>

三、重要日期

- ❖ 论文投稿截止日期：2016年10月16日
- ❖ 论文录用通知日期：2016年11月5日
- ❖ 提前注册截止日期：2016年11月7日

中国计算机学会生物信息学专业组

二〇一六年九月四日